



Title	Significance of Arg-107 and Glu-108 in the catalytic mechanism of human γ -glutamyl transpeptidase : Identification by site-directed mutagenesis
Author(s)	池田, 義孝
Citation	大阪大学, 1993, 博士論文
Version Type	
URL	https://hdl.handle.net/11094/38150
rights	
Note	著者からインターネット公開の許諾が得られていないため、論文の要旨のみを公開しています。全文のご利用をご希望の場合は、 https://www.library.osaka-u.ac.jp/thesis/#closed 大阪大学の博士論文について ご参照ください 。

The University of Osaka Institutional Knowledge Archive : OUKA

<https://ir.library.osaka-u.ac.jp/>

The University of Osaka

氏 名	池 田 義 孝
博士の専攻分野の名称	博 士 (医 学)
学 位 記 番 号	第 1 0 6 0 9 号
学 位 授 与 年 月 日	平成 5 年 3 月 25 日
学 位 授 与 の 要 件	学位規則第 4 条第 1 項該当 医学研究科生理系専攻
学 位 論 文 名	Significance of Arg-107 and Glu-108 in the catalytic mechanism of human γ -glutamyl transpeptidase: Identification by site-directed mutagenesis (ヒト γ -グルタミルトランスぺプチダーゼの触媒機構における107位アルギニン残基と 108 位グルタミン酸残基の重要性：部位特異的変異法による同定)
論 文 審 査 委 員	(主査) 教 授 谷口 直之 (副査) 教 授 吉川 寛 教 授 岡本 光弘

論 文 内 容 の 要 旨

(目 的)

γ -グルタミルトランスぺプチダーゼ (GGT) はグルタチオンやその関連化合物の γ -グルタミル基を加水分解したり、アミノ酸やペプチドのアミノ基へ転移する反応を触媒する酵素であり、大小二つのサブユニットから成る糖タンパク質である。これまで本酵素の触媒機構の研究には主に化学修飾が用いられてきたが、この酵素の立体構造が明らかにされていないこともあり、その明確な触媒機構はもとより、それに関与するアミノ酸残基の同定もほとんどなされていなかった。そこで今回、部位特異的変異法によりアミノ酸置換を導入した変異酵素の性質を調べることで、酵素活性に重要な役割をもつアミノ酸残基の同定を試み、反応機構におけるその残基の役割について検討した。

(方法および結果)

発現に使用したヒト GGT cDNA は当教室の坂室らがクローニングしたものを用いた。変異を導入する領域は、 γ -グルタミル基を加水分解する GGT 関連酵素である GGT-rel と高いホモロジーがある大サブユニット中のアミノ酸残基で 50 位から 150 位の間とした。置換したアミノ酸は、フェニルグリオキサールによる化学修飾の報告からアルギニンとリジン及び保存されているグルタミン酸とした。変異の導入は Kunkel 法により行った。発現ベクター (pSVK 3) に組み込んだ野生型及び変異酵素の cDNA を、COS-1 細胞に電気穿孔法によって導入し、酵素蛋白を一過性に発現させた。発現された酵素の解析には細胞のホモジネートを使用した。各変異酵素蛋白の発現レベルを ELISA 法にて測定して、それらの酵素活性を発現された蛋白あたりの相対値に補正し、野生型酵素と比較した。

その結果、100 位のリジンをアスパラギン、112 位、139 位、147 位及び 150 位の各アルギニンをグルタミンに置換した変異酵素では野生型酵素とほぼ同じ活性を示したが、107 位のアルギニン残基をグルタミンに置換した変異酵素では活性は全く認められなかった。107 位のアルギニン残基のもつ陽性電荷が重要である可能性があったため、これをリジンに置換した。この変異酵素 (R107K) の活性は野生型の 1.3 % まで回復した。また 107 位の近傍において 102 位と 108 位のグルタミン酸残基が保存されていたので、これらをグルタミンに置換した。その結果、102 位の置換では酵素活性には全く影響はなかったが、108 位を置換した変異酵素 (E108Q) ではその活性が著しく低下した (野生型の 1.7 %)。これらの変異酵素を抗ヒト腎 GGT 抗体を用いてイムノブロットを行ったところ、すべての変異酵素は野生型と同様に大小二つのサブユニットに分かれ、糖鎖付加も起こっていることから、導入されたアミノ酸置換は酵素のプロセッシングには影響を与えていないと考えられた。

次に変異酵素の動力学的解析を行った。 γ -グルタミル基のドナー基質 (γ -グルタミル-3-カルボキシ-4-ニトロアリニド) に対するみかけの動力学的パラメーター (appVmax, appKm) は 150mM のアクセプター基質 (グリシルグリシン) 存在下で、アクセプター基質に対しては 5 mM のドナー基質存在下で求めた。野生型酵素と各変異酵素のパラメーターを比較したところ、R107K と E108Q 以外の変異酵素は野生型酵素と全く同じ値であった。R107K のドナー基質の appKm は、野生型 0.82mM に対して 6.9mM と 8.4 倍の値であり、appVmax は野生型の 5.7 % であった。しかしながら、この変異酵素はアクセプターを添加しても活性が 1.5 倍ほどにしか促進されなかった (野生型では約 20 倍促進される) ため、アクセプターに対するパラメーターは求められなかった。また、ドナーの加水分解活性における Vmax, Km はそれぞれ野生型の 30 % 及び、6.8 倍であった。以上の結果から、107 位のアルギニン残基は活性に必須ではあるが、触媒基そのものではなく、その陽性電荷を通して基質結合に関与することが示唆された。一方、E108Q のドナー基質に対する appKm は 1.3mM と野生型に近い値であったが、アクセプター基質に対しては、野生型 8.7mM に対して 74mM と約 9 倍に増加していた。また各基質に対する appVmax は野生型の 4 - 5 % であった。以上の結果から 108 位のグルタミン酸は酵素活性に不可欠ではないが、アクセプター基質の結合及び触媒機構において補助的な役割をもっていることが示唆された。

(総括)

1. ヒト γ -グルタミルトランスぺプチダーゼの大サブユニット中の 107 位のアルギニンと 108 位のグルタミン酸の置換により酵素活性が著しく減少した。
2. 107 位のアルギニン残基は酵素活性に必須であり、おそらく静電的にその陽性電荷を通して基質結合に関与する可能性が示唆された。
3. 108 位のグルタミン酸残基は不可欠ではないが、反応機構において重要な役割をもつと考えられた。

論文審査の結果の要旨

γ -グルタミルトランスぺプチダーゼはグルタチオンの分解を行い、グルタチオンのターンオーバーに重要な酵素である。これまで、本酵素の触媒機構や活性部位の検索は、化学修飾法により行われてきたが、特定のアミノ酸残基が活性発現に関与しているという直接的な証拠は得られていなかった。

本研究では、部位特異的変異法を用いアミノ酸置換を導入した変異酵素を野生型酵素と比較することにより、触媒機構において重要な役割をもつアミノ酸残基の同定を試みた。その結果、107 位のアルギニン残基の陽性電荷は活性発現に必須であること、また 108 位のグルタミン酸残基は補助的ではあるが重要な役割を担っていることを明らかにした。これは本酵素の触媒機構の研究に初めて遺伝子工学的手法を取り入れたものであり、触媒機構に関与するアミノ酸残基の同定だけでなく、その機能にも言及している点に意義がある。

したがって、本論文は学位論文に値するものと考えられる。