

Title	Establishment of a new assay method, and purification and cDNA cloning of GDP-L-fuc : N-acetyl- β -D-glucosaminide α 1-6fucosyltransferase.
Author(s)	魚住, 尚史
Citation	大阪大学, 1996, 博士論文
Version Type	
URL	https://hdl.handle.net/11094/40066
rights	
Note	著者からインターネット公開の許諾が得られていないため、論文の要旨のみを公開しています。全文のご利用をご希望の場合は、 〈a href="https://www.library.osaka-u.ac.jp/thesis/#closed"〉 大阪大学の博士論文について <a>〉 をご参照ください。

Osaka University Knowledge Archive : OUKA

<https://ir.library.osaka-u.ac.jp/>

Osaka University

ロゾーム分画を抽出し、トランスフェリン由来のアシアロアガラクト糖ペプチドカラムと GDP-ヘキサノラミンカラムによるアフィニティークロマトを用いて精製を試みた。これらのステップで最終的に比活性が4.4万倍に上昇し、10%SDS-PAGEで、58 KDaに主要なバンドを得た。得られたアミノ酸シーケンスをもとにブタ脳の λ gt11, cDNAライブラリーから5つの α 1-6FucT の cDNA を得た。この cDNA の塩基配列から、open reading frame は1,728 bp からなり、575アミノ酸をコードしていることが分かった。この結果は、精製された α 1-6FucT のアミノ酸配列と全く一致した。発現ベクターである pSVK3 に α 1-6FucT 遺伝子を組み込み、COS 細胞に一過性に発現させたところ著しい α 1-6FucT 活性を認めた。

[総括]

α 1-6FucT は還元末端に結合した N-アセチルグルコサミンの構造が損なわれていないことが酵素活性に不可欠なため、従来法とは異なる PABA 標識による新しい活性測定法を開発した。この活性測定法を使ってブタ脳の α 1-6FucT の酵素精製を行い、得られたアミノ酸情報をもとにブタ α 1-6FucT の cDNA をクローニングした。 α 1-6FucT の mRNA は、3.5 kb からなり、予想されるアミノ酸配列から、全長575アミノ酸からなる II 型膜貫通タンパク質であることがわかった。すなわち、本酵素は短いサイトプラスミックテイルとそれに続くトランスメンブレン領域をもち、261残基から340残基の間にグリコシルトランスフェラーゼに特徴的なプロリンに豊かな領域をもつことが分かった。しかし、これまでに報告されたフコシルトランスフェラーゼとは、全く違うアミノ酸配列を持つことから、従来のフコシルトランスフェラーゼのジーンファミリーには属さない新しい遺伝子であることが分かった。今後、正常肝、肝癌における α 1-6FucT の発現調節機能の解析及び、肝癌の早期診断への応用が期待される。

論文審査の結果の要旨

糖タンパク質の糖鎖は癌化、分化、発生に関与するといわれ、近年、糖鎖遺伝子のクローニングによって、その直接的な証明がなされるようになってきた。しかし、その多くは expression cloning 又はホモロジーから得られたもので、生体内に微量しか存在していない糖転移酵素を精製し、クローニングするのは至難といえる。

肝癌で α フェトタンパク質の糖鎖構造が変化することは古くから知られており、実地臨床の場で応用されている。この特殊なフコシル化を修飾する α 1-6 フコシルトランスフェラーゼは、1974年にその存在を報告されているが、今日までクローニングされていなかった。本研究室では、従来の蛍光標識法を改良した新しい活性測定法を確率し精製クローニングを可能にした。

以上により本研究は学位に値する。