



| | |
|--------------|---|
| Title | Expression of tumor suppressor gene p16INK4 products in primary gastric cancer |
| Author(s) | 辻江, 正樹 |
| Citation | 大阪大学, 2000, 博士論文 |
| Version Type | |
| URL | https://hdl.handle.net/11094/41848 |
| rights | |
| Note | 著者からインターネット公開の許諾が得られていないため、論文の要旨のみを公開しています。全文のご利用をご希望の場合は、大阪大学の博士論文についてをご参照ください。 |

The University of Osaka Institutional Knowledge Archive : OUKA

<https://ir.library.osaka-u.ac.jp/>

The University of Osaka

| | |
|------------|---|
| 氏名 | 辻 江 正 樹 |
| 博士の専攻分野の名称 | 博士 (医学) |
| 学位記番号 | 第 15065 号 |
| 学位授与年月日 | 平成 12 年 2 月 3 日 |
| 学位授与の要件 | 学位規則第 4 条第 1 項該当 医学系研究科 外科系専攻 |
| 学位論文名 | Expression of tumor suppressor gene p16 ^{INK4} products in primary gastric cancer (胃癌における癌抑制遺伝子 p16 ^{INK4} の発現) |
| 論文審査委員 | (主査) 教授 門田 守人 (副査) 教授 青笹 克之 教授 野口眞三郎 |

論文内容の要旨

〔背景及び目的〕

Cyclin、cyclin-dependent kinase (CDK)、CDK inhibitor など細胞周期のコントロールに関わる様々な因子の存在が明らかとなり、ヒトの癌でしばしばこれらの発現異常がみられることがわかってきた。p16遺伝子は染色体 9p21 に存在し、その遺伝子産物 p16 蛋白は細胞周期促進因子である CDK4、CDK6、cyclin D1 と結合することによって細胞周期を抑制すると考えられている。近年、ある種の CDK inhibitor は癌の進展に関与すること、p16 蛋白の発現には promoter 領域の methylation の有無や癌抑制遺伝子 Rb の発現状況が影響する場合があることが報告されている。胃癌では、p16 遺伝子の変異や欠失は稀であることが知られているが、蛋白レベルの発現解析や、p16 promoter の methylation についての検討は未だ報告がない。本研究では、胃正常組織および胃癌組織において p16 蛋白の発現を Western blot 法と免疫組織染色法により検討するとともに、p16 遺伝子 promoter の methylation および Rb 蛋白発現が p16 蛋白発現に与える影響を解析した。

〔材料と方法〕

1) p16 蛋白を発現する HBL100 乳腺上皮細胞、p16 遺伝子が homozygous に欠失している T98G 神経膠芽腫細胞を用いて Western blot 法、免疫組織染色法による p16 蛋白の検出を行い、p16 抗体の特異性を確認した。胃癌組織における p16 蛋白発現の検討には、1991 年から 1995 年に手術により切除された 80 例の胃癌症例を対象とした。癌部と隣接非癌部を含む中性ホルマリン固定パラフィン包埋切片を作成し、p16 の免疫組織染色を行い、p16 蛋白の発現頻度と臨床病理学的因子及び患者予後との関連性を解析した。

2) p16 遺伝子の promoter 領域の methylation の検出には、20 例の胃癌凍結組織から抽出した DNA を sodium bisulfite 处理した後、methylation 特異的 primer を用いて PCR 法にて検出した。

3) Rb 蛋白の免疫染色を行い、p16 蛋白の発現と比較した。

〔成績〕

1) 非腫瘍組織においては、p16 蛋白は正常胃粘膜の腺頸部及び腺体部に、過形成粘膜においては腺底部に主として発

現しており、p16陽性細胞の頻度は10%以下であった。癌部においては0～100%の様々な頻度(mean: 24.5±19.8%)でp16の発現が認められた。癌部でp16の発現を認めなかつた症例は11.3% (9/80) であった。臨床病理学的因子との比較では、p16低発現群は低分化症との間に相関が認められた (p=0.0133)。p16発現の程度は患者の予後とは関連性を認めなかつた。

2) 胃癌組織20例のうち、promoter領域にmethylationを認めなかつた群(n=9)では、p16蛋白の発現が全症例で認められたのに対し、promoter領域にmethylationを認めた群(n=11)では、2症例でp16の発現を全く認めなかつた。両群でp16の平均陽性細胞率を算出すると、methylationを認めた群で有意にp16蛋白の発現低下を認めた (p=0.0013)。

3) Rb蛋白とp16蛋白発現に関連性は認められなかつた。

[総括] 本研究は、胃癌におけるp16蛋白の発現とpromoter領域のmethylationの状況についての最初の報告である。本研究によって、胃癌の約11%では免疫組織学的にp16蛋白の発現を認めないこと、p16蛋白の発現低下は低分化組織型と関連性があることが初めて明らかとなつた。更に、p16遺伝子promoterのmethylationが、さまざまな程度に胃癌組織におけるp16蛋白の発現を抑制する可能性が示唆された。

論文審査の結果の要旨

近年、細胞周期制御に関わる因子の発現異常がヒトの癌でしばしばみられることがわかつてきつた。p16遺伝子は染色体9p21に存在し、その遺伝子産物p16蛋白は細胞周期促進因子であるCDK4/cyclin D1と結合することによって細胞周期を負に抑制する。

本研究では、胃正常組織および胃癌組織80例においてp16蛋白の発現を免疫組織学的に検討するとともに、Rb(retinoblastoma)遺伝子発現、およびp16遺伝子promoter領域のmethylationがp16蛋白発現に与える影響について検討した。

免疫組織染色では非腫瘍組織においては、p16染色陽性細胞の頻度は10%以下であったのに対し、癌部においては0～100%の様々な頻度 (mean: 24.5%) でp16の発現がみられた。癌部でp16の発現を認めなかつた症例は11.3% (9/80) であった。臨床病理学的因子との比較において、p16非発現群では低分化型癌との間に相関が認められた (p<0.02)。癌部でのRb蛋白発現とp16蛋白発現の間には関連性を認めなかつた。

胃癌組織20例より抽出したDNAを用いてp16 promoter領域のmethylationをPCR法で解析したところ、methylationを認めなかつた9例ではp16蛋白の発現が全症例で認められたのに対し、methylationを認めた11例のうち2症例でp16の発現を全く認めなかつた。両群でp16の平均陽性細胞率を算出すると、methylationを認めた群で有意にp16蛋白の発現低下を認めた (p<0.002)。

この研究によって、胃癌組織におけるp16蛋白発現と細胞分化との関連性が示唆された。更に、胃癌組織においてp16遺伝子promoter領域のmethylationが高頻度(55%)にみられることが初めて明らかとなり、p16の発現を認めない胃癌症例では、promoter領域のmethylationがp16蛋白発現抑制に関与する可能性が示され、本研究は学位に値する業績と考える。