



Title	A newly identified AMSH-family protein is specifically expressed in haploid stages of testicular germ cells
Author(s)	北島, 桂子
Citation	大阪大学, 2005, 博士論文
Version Type	
URL	https://hdl.handle.net/11094/45970
rights	
Note	著者からインターネット公開の許諾が得られていないため、論文の要旨のみを公開しています。全文のご利用をご希望の場合は、大阪大学の博士論文についてをご参照ください。

The University of Osaka Institutional Knowledge Archive : OUKA

<https://ir.library.osaka-u.ac.jp/>

The University of Osaka

氏名	北島桂子
博士の専攻分野の名称	博士(医学)
学位記番号	第19091号
学位授与年月日	平成17年1月31日
学位授与の要件	学位規則第4条第2項該当
学位論文名	A newly identified AMSH-family protein is specifically expressed in haploid stages of testicular germ cells (精巣の半数体細胞に特異的に発現する新規遺伝子 AMSH-family protein の解析)
論文審査委員	(主査) 教授 中村 敏一 (副査) 教授 高井 義美 教授 谷口 直之

論文内容の要旨

【目的】

LIMキナーゼ(LIMK)は申請者の所属する研究室でクローニングされた新規のプロテインキナーゼである。LIMKにはLIMK1ならびにLIMK2の2つのファミリー分子が存在し、同研究室でなされたLIMK2欠損マウスの作製により、LIMK2は精子形成に関与することが明らかにされた。申請者は精巣におけるLIMK2の機能を明らかにするため、LIMK2と相互作用する分子のクローニングを行う過程でAMSH-family protein(AMSH-FP)と名付けた新規の遺伝子をクローニングした。本研究ではとりわけ精巣における精子形成過程を中心にAMSH-FPの詳細な発現を解析するとともに、AMSH-FPの遺伝子配列から類推される構造的特徴に基づいてAMSH-FPの機能を考察した。

【方法ならびに成績】

LIMK2に結合する分子を探索する過程で得られた新規遺伝子の全長cDNAをクローニングした。cDNAから予想される一次構造を解析したところ、本分子はJak2/Jak3-STAM複合体の下流で、IL-2やGM-CSFなどのサイトカインによる細胞内シグナル伝達に関わるAssociated Molecule with SH3 domain of STAM(AMSH)と相同性を有することから、この新規遺伝子をAMSH-family protein(AMSH-FP)と命名した。脳ならびに精巣のcDNAライブラリーのスクリーニングにより、AMSH-FPには選択的スプライシングの違いにより2つのバリアント(AMSH-FP α とAMSH-FP β)が存在することを明らかにした。両バリアントにはc-Junの活性化に関わるJABドメインと相同性を有する配列が保存されており、AMSH-FP α は437アミノ酸からなり核内移行シグナルを有する。一方、AMSH-FP β は271アミノ酸からなり、これはAMSH-FP α のN末端166アミノ酸残基を欠失した領域に相当している。AMSH-FP α 、-FP β に対するcDNAを含む発現ベクターをそれぞれ構築しCOS-7細胞で発現させたところ、予想されるサイズの蛋白質が合成されることが確認された。両バリアントのmRNAの発現を解析したところ、AMSH-FP α が胸腺や脾臓などの免疫系組織を始めとする組織に幅広く発現しているのに対し、AMSH-FP β は精巣に限局して発現していることを見いだした。

上記の結果ならびにLIMK2が精子形成に関与することをふまえAMSH-FP β の精巣特異的な発現様式を詳細に検討した。生殖細胞は未分化なものから順に精細管の基底膜より内腔に向かって配列し、精祖細胞から精母細胞への分化成熟過程、精母細胞から精娘細胞への第一減数分裂過程、精娘細胞から精子細胞への第二減数分裂過程、精子細胞

から精子への精子変態過程の4段階を経て精子は成熟する。AMSH-FP β は幼若精巣、精子形成不全や腹腔内停留状態の精巣では発現が認められず、成熟精子の形成開始期である生後20日目以降の精巣で発現を確認した。またAMSH-FP β は減数分裂終了後の円形精子細胞に限局して発現し、未分化精細胞やセルトリ細胞、ライディッヒ細胞に発現を認めなかった。一方、LIMK2の精巣特異的バリアント体tLIMK2は精母細胞から円形精子細胞に至る減数分裂期に発現しており、AMSH-FP β とtLIMK2の機能的関連性が示唆された。

【総括】

これまでに選択的スプライシングにより精巣特異的に発現する様々な遺伝子が、精子形成に関わることが報告されている。AMSH-FP β もまた選択的スプライシングにより精巣特異的に発現が制御されているとともに、とりわけ減数分裂直後の円形精子細胞に限局して発現することから、精子の成熟過程に重要な機能を担っていると考えられる。精子形成過程ではクロマチンの再構成や濃縮、鞭毛の形成、アクロゾームの発達など劇的な形態変化が見られ、精子成熟過程の後半ではmRNAの転写は行われず、蛋白質合成の調節機構が存在することが知られている。AMSH-FPは転写因子c-Junの活性化に関与するJab1と相同性を有することから、AMSH-FP β が円形精子細胞で高発現し、細胞質内でc-Junと複合体を形成して核内へ移行し、精子成熟に必要な遺伝子群の転写に働く可能性が考えられる。またtLIMK2が恒常的活性化型として精細胞の核内でリン酸化を介したコフィリン凝集体の核外排除に働くこと、細胞骨格系の制御に重要な役割を担っていることから、AMSH-FP β がtLIMK2の制御を受け、精子の形態形成に関わっている可能性が考えられた。一方、AMSH-Smad複合体がBone Morphogenic Protein(BMP)誘導性の増殖阻害やアポトーシスを抑制することや、円形精子細胞に発現しているBMP-8a/bが精子形成の制御に関わることから、AMSH-FP β がBMPシグナルやLIMK2によるリン酸化制御などを介して、精子細胞成熟過程に重要な機能を担っている可能性が示唆された。

論文審査の結果の要旨

LIMキナーゼ(LIMK)はLIMドメインと呼ばれるモチーフ構造を有する新しいキナーゼ分子で、低分子量G蛋白質Rhoファミリー分子による活性化を受け、アクチン脱重合因子であるコフィリンをリン酸化するアクチン細胞骨格の再構築に重要な制御因子であるが、個体レベルにおけるLIMKの生理機能は依然として不明である。LIMKにはLIMK1とLIMK2の2つのタイプが存在するが、そのうちLIMK2の遺伝子欠損マウスでは精巣重量が野生型に比べて減少し、精子形成異常が認められた。申請者はLIMK2の精巣における機能を解析するため、LIMK2と細胞内で相互作用する分子の探索を行い、新規の遺伝子をクローニングした。この分子がJak-STAM複合体の下流でIL-2やGM-CSFなどのサイトカインによる細胞内シグナル伝達に関わるAssociated Molecule with SH3 domain of STAM(AMSH)と相同性を有することから、AMSH-family protein(AMSH-FP)と名付け、選択的スプライシングによりAMSH-FP α 、-FP β の2つのバリアントが存在することを認めた。このうちAMSH-FP β は成体の精巣に限局して発現しており、in situ hybridization法を用いて詳細に発現部位を検討した結果、減数分裂終了後の円形精子細胞に限局して発現していることを明らかにした。つまりAMSH-FP β がLIMK2の制御下でリン酸化を介したコフィリンーアクチン凝集体の核外排除機構に関わり、精子の形態形成に重要な役割を担っている可能性を初めて明らかにした研究である。本研究は学位申請者によってなされた研究であり、LIMK2およびAMSH-FP β の精子形成に関わるシグナル経路を初めて明らかにした点で極めてオリジナリティーの高い研究成果である。

以上の理由から、北島桂子氏の論文は博士の学位授与に値するものと考えられる。