



Title	Structure analysis of rat liver vault at 3.5Å resolution
Author(s)	加藤, 公児
Citation	大阪大学, 2008, 博士論文
Version Type	
URL	https://hdl.handle.net/11094/49728
rights	
Note	著者からインターネット公開の許諾が得られていないため、論文の要旨のみを公開しています。全文のご利用をご希望の場合は、大阪大学の博士論文についてをご参照ください。

The University of Osaka Institutional Knowledge Archive : OUKA

<https://ir.library.osaka-u.ac.jp/>

The University of Osaka

【29】				
氏 名	加 藤 公 児			
博士の専攻分野の名称	博 士 (理 学)			
学 位 記 番 号	第 2 2 5 6 7 号			
学 位 授 与 年 月 日	平成 20 年 12 月 18 日			
学 位 授 与 の 要 件	学位規則第 4 条第 1 項該当			
	理学研究科高分子科学専攻			
学 位 論 文 名	Structure analysis of rat liver vault at 3.5Å resolution (3.5Å分解能でのラット肝臓由来 vault の構造解析)			
論 文 審 査 委 員	(主査) 教 授 中川 淳史			
	(副査) 教 授 青島 貞人 教 授 奥山 健一 名誉教授 月原 富武			

論 文 内 容 の 要 旨

ラット肝臓より単離された vault は 3 種類の蛋白質と 1 種類の RNA によって 構成されており、分子
量約 1300 万でサイズが約 40×70nm という今までに報告されている RNA・蛋白質複合体の中では
最大である。

これまでに NMR、X 線結晶構造解析そしてクライオ電子顕微鏡解析によって、vault の構造情報が
報告されている。クライオ電顕による vault 粒子の 20Å 程度での全体構造や、 NMR による vault
の主要な構成成分である major vault protein(MVP)の 113-221 残基から成る 3・4 ドメインと呼ばれる
小さなフラグメントの構造そして X 線結晶構造解析による 9Å 分解能での構造など、vault の構造情
報は限られている。

また、vault の生理的役割については、物質輸送、多剤耐性癌細胞における耐性獲得、シグナル伝
達、自然免疫への関与などの機能が報告されているが、vault の本質的な機能については議論の最中
である。

このよう背景を受けて私たちは vault を複合体の状態で構造解析することにより、構造形成メカニ
ズムや生理機能を解明することを目的とした。私たちはラット肝臓由来 vault を構成成分にばらすこ
となく、結晶化することに成功し、現在ところ、vault の外側の殻を形成する MVP (861 残基中 812
残基) の構造を 3.5Å 分解能で決定した。MVP モノマーはアミノ末端側から、9 個の繰り返しドメイ
ン、肩ドメイン、キャップヘリックスドメイン、キャップリングドメイン構造をとっている。vault
の殻構造は 39 量体の MVP がリング状に配置されることにより vault 粒子の半分を形成していた。そ
して、それら 2 つが合わさることによって 78 量体の MVP が *D*₃₉ の対称を持った樽状の構造を形成し
ていることが分かった。これまでに報告されている vault の構造は 48 回対象を持つ 96 量体である。
構造解析の分解能も 9Å で、その中の MVP の構造も我々の構造と大きく異なっている。こうした誤
りが生じたのは、十分吟味することなく 48 回転対称を信じ込んで構造解析を実施したところにある。
vault の粒子形成に重要であると考えられる MVP のモノマー間の相互作用は C 末端部分に集中して
おり、その部分が中心となって MVP の自己集合がおこり、vault の構造が形成されるのではないかと
考えられる。

機能を明らかにするために使うことのできる構造が得られたので、DALI server を用いて、立体構

造をもとにしたホモロジーサーチを行ったところ、脂質ラフト（細胞膜上のスフィンゴ脂質とコレステロールに富んだ領域）に局在する膜タンパク質ストマチンに高い相同性を示した（**rmsd = 2.2Å**）。このストマチンはコレステロールを結合することが知られている。それは上記の **vault** が自然免疫に関与するという機能研究の中で **vault** が脂質ラフト周辺に集まるという観察と一致しており、**vault** が自然免疫に関与するという機能を強く示唆している。

論文審査の結果の要旨

本研究では、分子質量13MDaの巨大なタンパク質- 核酸複合体であるVaultの立体構造を、X線結晶構造解析法を用いて3.5 Åで決定した。Vaultは、これまでに報告されているタンパク質- RNA複合体としては最も大きな粒子である。Vaultの生理学的役割については、物質輸送、多剤耐性がん細胞における耐性の獲得、シグナル伝達、自然免疫への関与などが報告されているが、その本質的な機能については議論が続いている。

Vaultの構造に関しては、これまでに、クライオ電子顕微鏡による20 Å分解能の構造、X線結晶構造解析による9 Å分解能の構造、およびNMRによる110残基ほどの小さなドメイン構造が報告されているのみであった。今回の研究では、Vault粒子の持つ対称性が、従来報告されていた D_{48} ではなく、 D_{39} であることをX線回折強度データから明らかにした。これにより、3.5 Åという高い分解能での原子構造の決定を行うことが成功した。

本研究では、Vaulの外側の殻を形成するMVPタンパク質（861残基中812残基の原子モデル）を決定した。これは、アミノ末端側から9回の繰返しドメイン、ショルダードメイン、キャップヘリックスドメイン、キャップリングドメインがタンデムにつながり、それが39個リング上に配置され、さらに同じものが2回軸で関係付けられた78量体構造を取っていた。

さらに、データベース検索から、ショルダードメインの構造が、脂質ラフトに局在する膜タンパク質ストマチンと高い類似性を示すことを見出した。このことは、Vaultが自然免疫に関与する際にラフト付近に集まるという結果を支持し、Vaultが自然免疫に関与するという機能を強く示唆している。

本研究は、X線結晶構造解析のこれまでの限界を越える巨大なタンパク質- 核酸複合体の構造解析を行い、さらに、その立体構造から機能解析に迫る成果をあげている。

よって、本論文は博士（理学）の学位論文として十分価値あるものと認める。