

Title	Two N-Linked Glycosylation Sites in the V2 and C2 Regions of Human Immunodeficiency Virus Type 1 CRF01_AE Envelope Glycoprotein gp120 Regulate Viral Neutralization Susceptibility to the Human Monoclonal Antibody Specific for the CD4 Binding Domain
Author(s)	Piraporn, Utachee
Citation	大阪大学, 2012, 博士論文
Version Type	
URL	https://hdl.handle.net/11094/59760
rights	
Note	著者からインターネット公開の許諾が得られていないため、論文の要旨のみを公開しています。全文のご利用をご希望の場合は、〈a href="https://www.library.osaka- u.ac.jp/thesis/#closed">大阪大学の博士論文についてをご参照ください。

Osaka University Knowledge Archive : OUKA

https://ir.library.osaka-u.ac.jp/

Osaka University

-299-

- [139] -

氏 名 Piraporn Utachee

博士の専攻分野の名称 博 士 (医学)

学 位 記 番 号 第 25674 号

学位授与年月日 平成24年9月25日

学 位 授 与 の 要 件 学位規則第4条第2項該当

学位論文名 Two N-Linked Glycosylation Sites in the V2 and C2 Regions of

Human Immunodeficiency Virus Type 1 CRF01_AE Envelope Glycoprotein

gp120 Regulate Viral Neutralization Susceptibility to the Human

Monoclonal Antibody Specific for the CD4 Binding Domain

(HIV-1 CRF01_AE の外被糖蛋白質 gp120 の V2 と C2 領域に存在する N 結合

型糖鎖修飾部位は、CD4 結合部位を特異的に認識するヒト単クローン抗体

に対するウイルスの感受性を規定する)

論 文 審 査 委 員

(主査) 教授 生田 和良

副査)

教 授 松浦 善治 教 授 塩田 達雄

A recombinant human monoclonal antibody, IgG1 b12 (b12), recognizes a conformational epitope on human immunodeficiency virus type 1 (HIV-1) envelope glycoprotein (Env) gp120 that overlaps the CD4 binding domain. Although b12 is able to broadly neutralize HIV-1 subtype B, C, and D viruses, many HIV-1 CRF01_AE viruses are resistant to b12-mediated neutralization. In this report, we examined the molecular mechanisms underlying the low neutralization susceptibility of CRF01_AE viruses to b12, using recently established CRF01_AE Env recombinant viruses.

[方法ならびに成績]

Materials and methods: AE-Env genes were cloned into the pNL4-3-derived luciferase reporter proviral construct, pNL-envCT to generate AE-Env-recombinant viruses. In addition, N-linked glycosylation mutants were generated by site-directed mutagenesis. Viral supernatants were prepared by transfecting 293T cells with the proviral construct. Then, neutralization susceptibility of the recombinant viruses to b12 was examined.

Result: Our results showed that two potential N-linked glycosylation (PNLG) sites in the V2 and C2 regions of Env gp120 played an important role in regulating the susceptibility of CRF01_AE Env to b12. The locations of these PNLG sites correspond to amino acid positions 186 and 197 in HXB2 Env gp120; thus, they are designated N186 and N197 in this study. Removal of N186 significantly conferred the b12 susceptibility of 2 resistant CRF01_AE Env clones, 65CC4 and 107CC2, while the introduction of N186 reduced the b12 susceptibility of a susceptible CRF01_AE Env clone, 65CC1. In addition, removal of both N186 and N197 conferred the b12 susceptibility of 3 resistant CRF01_AE Env clones, 45PB1, 62PL1, and 101PL1, whereas the removal of either N186 or N197 was not sufficient to confer the b12 susceptibility of these CRF01_AE Env clones. Finally, removal of N197 conferred the b12 susceptibility of 2 resistant CRF01_AE Env clones lacking N186, 55PL1 and 102CC2.

[総 括]

we propose that two PNLG sites, N186 and N197, in Env gp120 are important determinants of the b12 resistance of CRF01_AE viruses.

論文審査の結果の要旨

全世界に蔓延しているヒト免疫不全ウイルス1型 (HIV-1) は多様な亜種に分類される。欧米諸国で流行しているサ ブタイプB型 HIV-1の感染者より樹立された中和ヒト単クローン抗体 IgG1 b12は、様々な亜種に属する臨床分離ウイ ルス株の増殖を広範囲かつ強力に阻害する中和活性を示すが、タイをはじめとする東南アジア諸国に流行している CRF01_AE型 HIV-1はこのIgG1 b12による中和に抵抗性を示すことが知られている。申請者らはCRF01_AE型ウイルスが IgG1 b12に抵抗性を示す分子機構を解析して、HIV-1外被タンパク質 Env gp120のV2領域とC2領域の186および197番目 のアミノ酸残基がN結合型糖鎖修飾されることにより、CRF01_AE型ウイルスがIgG1 b12に抵抗性を示すことを明らかに して報告した。これらの解析は博士(医学)の学位授与に値すると考えられる。