



Title	Peroxisomal Membrane Protein PMP34 Is Involved in the Human Papillomavirus Infection Pathway
Author(s)	Ito, Rie
Citation	大阪大学, 2022, 博士論文
Version Type	
URL	https://hdl.handle.net/11094/89523
rights	
Note	やむを得ない事由があると学位審査研究科が承認したため、全文に代えてその内容の要約を公開しています。全文のご利用をご希望の場合は、大阪大学の博士論文についてをご参照ください。

The University of Osaka Institutional Knowledge Archive : OUKA

<https://ir.library.osaka-u.ac.jp/>

The University of Osaka

論文内容の要旨

Synopsis of Thesis

氏名 Name	伊藤 理恵
論文題名 Title	Peroxisomal Membrane Protein PMP34 Is Involved in the Human Papillomavirus Infection Pathway (ペルオキシソーム膜蛋白PMP34はヒトパピローマウイルスの感染経路に関与している)
論文内容の要旨	
〔目的(Purpose)〕	
<p>ヒトパピローマウイルス(HPV)感染は、子宮頸癌のほとんど、中咽頭癌の半数以上の原因になっていることが明らかになっている。HPVはエンベロープを持たない二本鎖環状DNAウイルスで、100種類以上の型が存在しそのうち高リスク型の16型と18型が様々な癌種の主な原因となっている。しかしHPVの細胞侵入機構は未だ明らかにされていない。</p> <p>HPV研究を行う上で、まずは細胞に効率よく感染し、感染状態をGFPで評価でき、なおかつ非感染細胞を選別できる新たなpseudovirion (PsV)を作製する。そしてPsVとCRISPR-Cas9システムを用いてゲノムワイドなスクリーニング法を確立し、HPV感染に関わる遺伝子を同定する。</p>	
〔方法ならびに成績(Methods/Results)〕	
<p>カプシドを構成するHPV16のL1とL2を含むプラスミドと、感染を確認するためのGFPや感染細胞をガンシクロビルで死滅させるためにdelta TK(<i>herpes simplex virus thymidine kinase</i>)を入れたレポータープラスミドを作製した。TKを発現した細胞はガンシクロビルが作用すると細胞のDNA合成を阻害しアポトーシスによる細胞死へ導くことを利用した。これらのプラスミドを用いてPsVを作製し、できたPsVが実際に細胞へ感染することをGFPで確認、FACSで定量的に評価した。また感染細胞にガンシクロビルを投与すると細胞が死滅することを確認した。</p> <p>PsVに感染性の高かった293FT細胞でCas9発現細胞株を作製し、それに約18000遺伝子を対象とした約9万種類のgRNAを含んだゲノムワイドCRISPRライブラリーを感染させた。これにPsVを暴露させ、PsVに感染した細胞をガンシクロビルで死滅させPsVに感染しなかった細胞を選別した。生存細胞に挿入されたgRNAをRNAシーケンスで解読した。PsVで感染させガシクロビルで非感染細胞を選別するという行程を5サイクル行うことで得られた生存細胞のgRNAから、SLC25A17とSAMHD1の2つの候補遺伝子が同定できた。SLC25A17はペルオキシソーム膜蛋白PMP34をコードしており、SAMHD1はデオキシヌクレオチド三リン酸をデオキシリボヌクレオチドと三リン酸に加水分解する酵素をコードしている。ヌクレオチド代謝がHPVの感染経路に関与している可能性は低いため、今回のスクリーニングの結果からは膜蛋白と関連するSLC25A17がHPV感染に関与している可能性があると示唆された。</p> <p>SLC25A17に対するgRNAを2種類用意した。293FT細胞と子宮頸癌の細胞株であるHeLa細胞にそれぞれCas9を発現させた細胞を作製し、2種類のgRNAをそれぞれトランスクレクションするとSLC25A17のmRNA発現レベルは相対的に低下した。そこへPsVを感染させ感染率が低下するかどうかを確認した。293FT細胞ではSLC25A17に対する2種類のgRNAとともにコントロールgRNAと比較し感染率が低下した($p < 0.0001$)。HeLa細胞においてもコントロールgRNAに対し、2つのgRNAとも感染率が低下した($p < 0.01$, $p < 0.001$)。これらの結果から、SLC25A17はHPVの感染経路に関与していることが示唆された。</p>	
〔総括(Conclusion)〕	
今回我々が新たに開発したPsVとCRISPR-Cas9システムを用いたゲノムワイドなスクリーニング法は有用であり、PMP34がHPV感染に関与していることが示唆された。	

論文審査の結果の要旨及び担当者

(申請者氏名) 伊藤理恵		
論文審査担当者	(職)	氏 名
	主 査 大阪大学教授	猪 子 等 世 訲 名
	副 査 大阪大学教授	上 田 亮 次 診 名
副 査 大阪大学教授	野 々 村 視 夫 診 名	
論文審査の結果の要旨		
<p>ヒトパピローマウイルス(HPV)感染は、ほぼ全ての子宮頸癌および半数以上の中咽頭癌を含めヒトの全癌の推定5%の原因となっている。18種の高リスク型HPVのうち16型と18型はHPV関連癌の重要な病因である。HPVが子宮頸部や中咽頭などの特定の部位の細胞に侵入する機序は十分に解明されていない。この研究ではまず、感染性のある新たなPseudovirion(PsV)を開発した。これはガンシクロビルと併用した場合にPsV感染細胞を殺すことができる。そしてゲノムワイドCRISPRスクリーニングシステムを用いて、HPV感染に関与する遺伝子としてペルオキシソーム膜蛋白PMP34をコードするSLC25A17を同定することに成功した。この方法は、開発したPsVを用いてHPV感染に関連する遺伝子をスクリーニングすることが可能であることを示した。本研究はHPV感染と関係した遺伝子を総合的に同定する助けになる研究であり学位に値するものと認める。</p>		